

FIG. 1

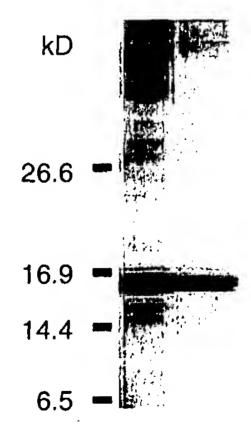


FIG. 2

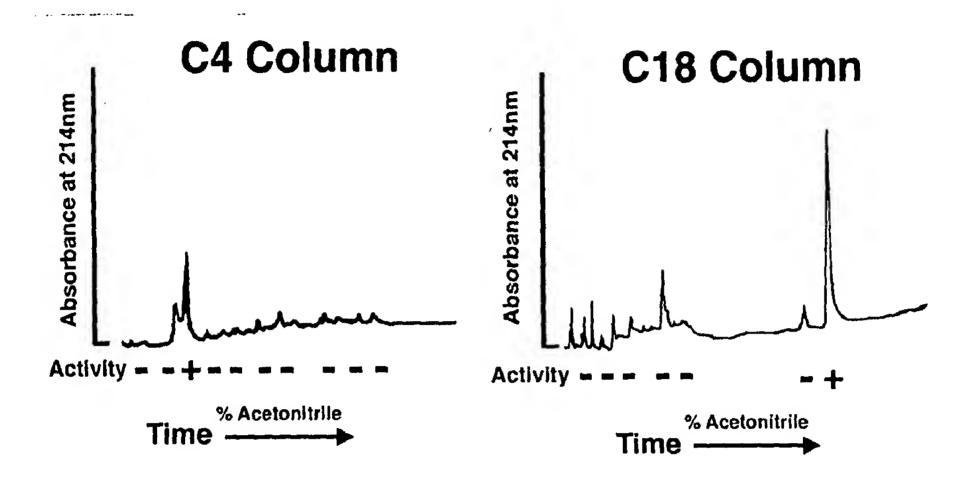


FIG. 3

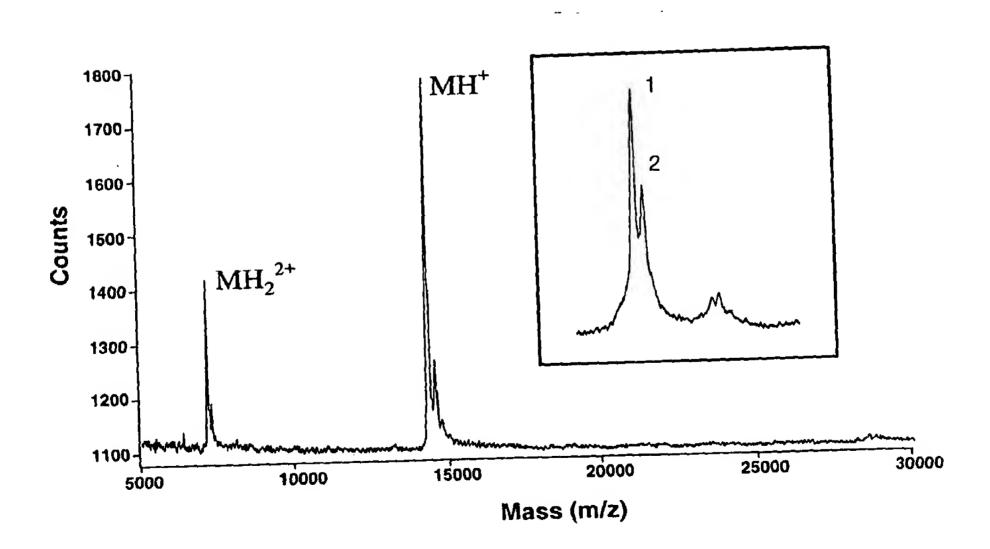


FIG. 4

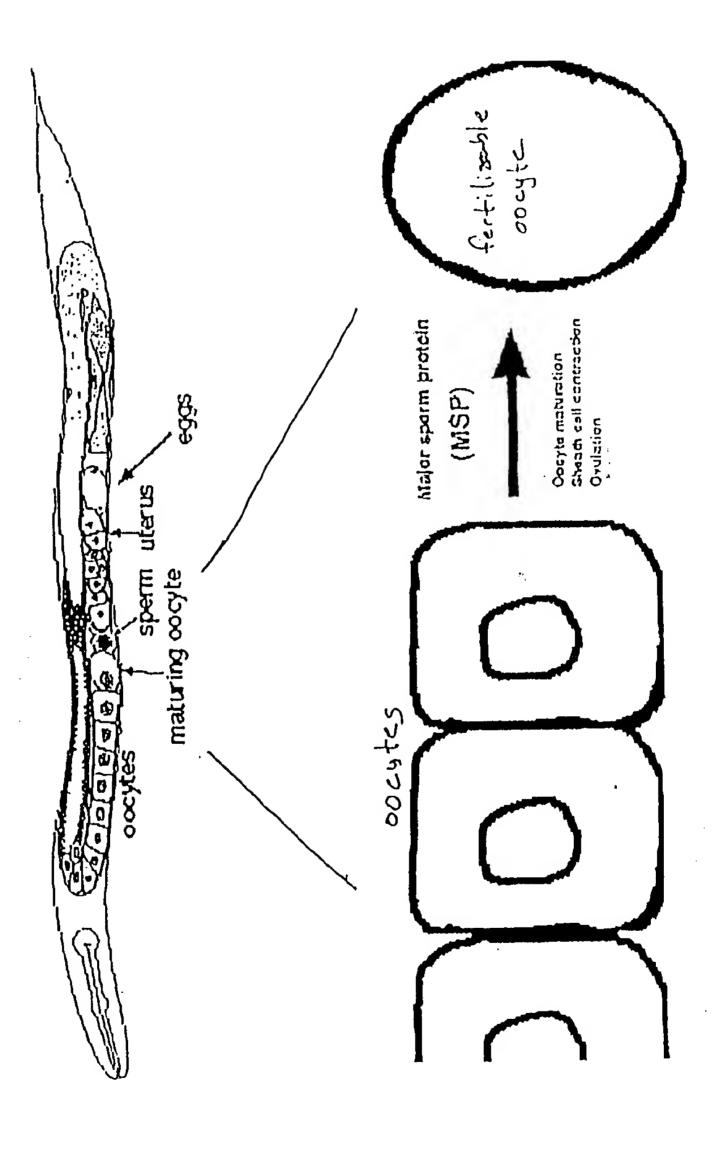


FIG. 5

	10 20 30 40 50 60 70
m	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
10	MAQSVPPGDIQTQPNAKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
19	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
31	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
33	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVE
38	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTDHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVFDPKEAVL
40	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
45	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
49	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKT <u>I</u> NMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
20	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
51	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
53	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
55	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRI <u>V</u> YGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
56	MAQSVPPGDIQTQPNAKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
27	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIVYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
59	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
63	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYRIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
64	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
65	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
94	MAQSVPPGDIQTQP <mark>NA</mark> KIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
77	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
MSP-78	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
4	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
81	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
113	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
142	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL
152	${f m_I}$ QSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL

The first that the fi

	NO:2	NO:3	NO:1	NO:1	NO:4	NO:5	NO:1	NO:1	NO:6	NO:1	NO:1	NO:1	NO:7	NO:3	NO:7	NO:1	NO:8	NO:1	NO:1	NO:3	0 : ON	NO:10	0 : ON	NO:1	NO:1	NO:1	NO:3
	ID 1	ID 1	ID	ID 1	ID	ID I	ID]	ID]	ID 1	ID I	ID	ID 1	ID 1	ID 1	ID	ΠΩI	ID	I OI	ID	ID]	ID]	I OI		ΠΩI	ID	ID	CI CI
	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ	SEQ
127	IEYNP	IEYNP	IEYNP	IEYNP	_	IEYNP	IEYNP	_	_	IEYNP	_	IEYNP	IEYNP	_	IEYNP	_	IEYNP	_	IEYNP	IEYNP	IEYNP						
120	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MARRKNLP	MVRRKNLP	MARRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP	MVRRKNLP
110	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNL	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLPI	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNL	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNL	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGM <u>A</u> RRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLPI	RREWFQGDGM <u>A</u> RRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP	RREWFQGDGMVRRKNLPI	RREWFQGDGMVRRKNLP	RREWFQGDGMVRRKNLPI
100		INTPDGAAKQFF	FNTPDGAAKQFF	INTPDGAAKQFF	INTPDGAAKQFF	INTPDGAAKQFF		FNTPDGAAKQFF	INTPDGAAKQFF			FNTPDGAAKQFF															
90	TNNDRITVEW:	TINDELTVEW.	TINDELTVEW	TINDRITVEW.	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDELTVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDELTVEW	TINDELTVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW!	TINDRITVEW!	TINDELTVEW	TINDRITIEM	TNNDRITVEW	TINDRITVEW	TINDRITVEW	TINDELTVEW	TINNDRITVEW
80	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAA <u>R</u> QF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITIEWTNTPDGAAKQF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQF	LAVSCDAFAFGQEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQF																			
	• •	• •	P-19	 H	P-33	SP-38	SP-40	r.	SP-49	SP-50	P-51	m	P-55	P-56	-57	P-59	P-63	4	-65	9	7	•	σ	 H	13	P-142	52

FIG. 6 - Continued

70	DPKEAVL	DPKEKVL	DPKESVL
9	LGVDPPCGVI	LSVDPPCGVI	LGVDPPCGVI
20	GIKTTNMKR	MIKTTNMRE	IAI KTTNMRR.
40	INSSARRIGY	TNAGGRRIGW	TNAGGRRIGW
30	DKHTYHIKV	DENTAHIKI	DENTAHIKI
20	TKIVFNAPY	QKIVFNAPY	SKIVFNAPY
10	MAQSVPPGDIQTQPGTKIVFNAPYDDKHTYHIKVINSSARRIGYGIKTTNMKRLGVDPPCGVLDPKEAVL	MAQSVPPGDINTQPSQKIVFNAPYDDKHTYHIKITNAGGRRIGWAIKTTNMRRLSVDPPCGVLDPKEKVL	MAQSVPPGDINTQPGSKIVFNAPYDDKHTYHIKITNAGGRRIGWAIKTTNMRRLGVDPPCGVLDPKESVL
	MSP-142	P27439	P27440

NO:11 NO:12 ID NO:1 ID ID SEQ SEQ LAVSCDAFAFGOEDTNNDRITVEWTNTPDGAAKQFRREWFQGDGMVRRKNLPIEYNP MAVSCDTFNAATEDLNNDRITIEWTNTPDGAAKQFRREWFQGDGMVRRKNLPIEYNL MAVSCDTFNAATEDLNNDRITIEWTNTPDGAAKQFRREWFQGDGMVRRKNLPIEYNL 90 80 MSP-142 P27439 P27440

FIG. 7

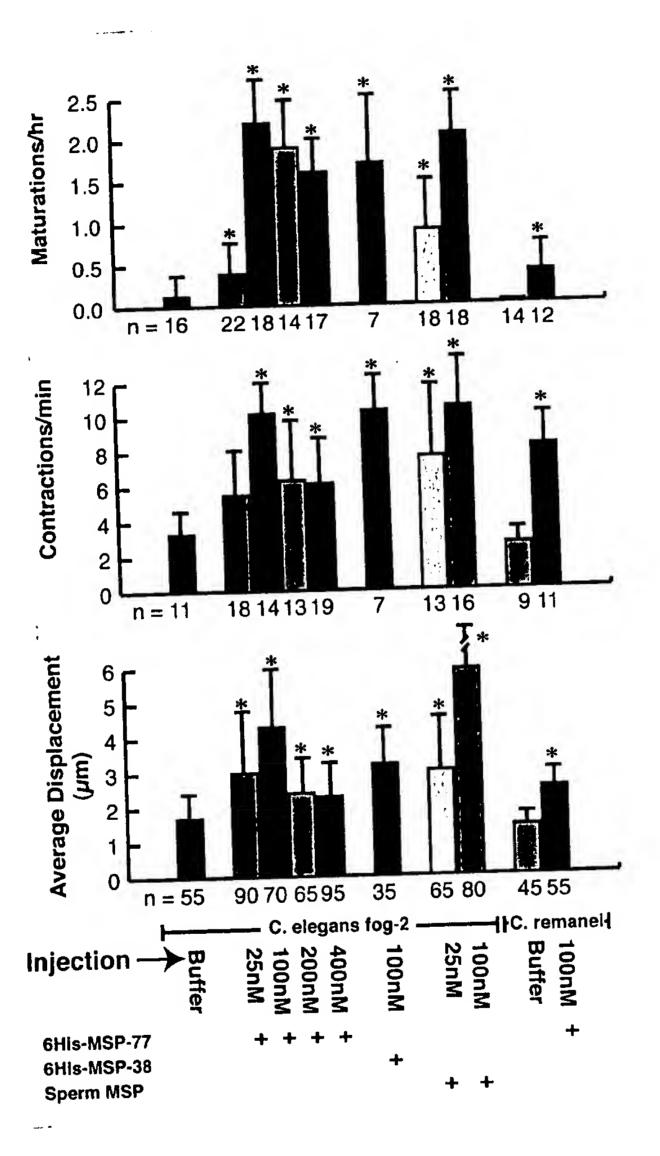


FIG. 8

	110	120	
$\textbf{AsMSP}\alpha$	REWFQGDG	MVRRKNLPIE	YNL
${f AsmSP}eta$	REWFQGDG	MVRRKNLPIE	YN <mark>L</mark>
GrMSP1	LEWFQGDG	MVRRKNLPIE	AN <mark>A</mark>
GrMSP2	LEWFQGDG	MVRRKNLPIE	YN <mark>V</mark>
GrMSP3	LEWFQGDG	MVRRKNLPIE	ANA.
CeMSP142	REWFQGDG	MVRRKNLPIE	YN <mark>P</mark>
CeMSP33	REWFQGDG	MVRRKNLPIE	YNP
OvMSP1	REWFQGDG	MVRRKNLPIE	YN <mark>L</mark>
OvMSP2	REWFQGDG	MVRRKNLPIE	YN _L

FIG. 9

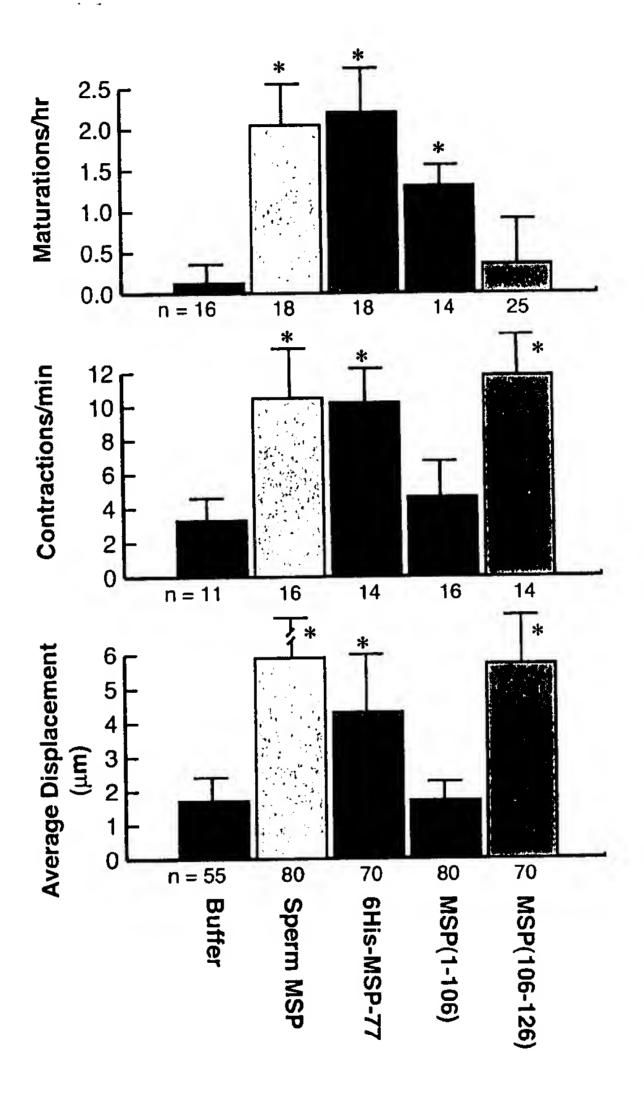


FIG. 10